

“Detección de mutaciones en los genes TP53, ATM, BCOR, BRAF, BTK, CXCR4, EZH2, KRAS, MYD88, NOTCH1, NRAS, PCLG2 y SF3B1 mediante la técnica de secuenciación masiva paralela en pacientes mexicanos con leucemia linfocítica crónica sin tratamiento previo.”

CRITERIOS DE INCLUSIÓN	CRITERIOS DE EXCLUSIÓN
Pacientes originarios de México, > de 18 años de edad.	Rechazo del consentimiento informado
Que hayan firmado el consentimiento informado.	Información incompleta
Pacientes con diagnóstico de LLC sin tratamiento previo	Pérdida o muestra de ADN no útil para análisis molecular.